

重组DNA的
原理和方法

重组 DNA 的原理和方法

The Principles and Methods of
Recombinant DNA

李德葆 徐 平 主编

浙江科学技术出版社

(浙)新登字第3号

责任编辑 李卓凡
封面设计 詹良善

重组 DNA 的原理和方法

李德葆 徐 平 主编

*

浙江科学技术出版社出版

浙江新华印刷厂印刷

浙江省新华书店发行

*

开本:787×1092 1/16 印张 31.5 字数 80 000

1994年5月第一版

1994年5月第一次印刷

ISBN 7-5341-0619-2/Q·19

定 价: 38.00 元

内 容 简 介

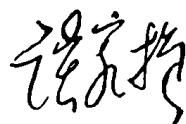
本书全面系统地介绍了重组 DNA 常用实验的原理和方法,比较了各种方法的优劣,列举了在实验中经常遇到的问题及解决办法,可供实验者参考和不断改进。许多方法配有插图,便于读者掌握。书中还收集了许多当今世界上的最新方法和技术,并附有参考文献,读者可根据需要进行查找。全书共分十三章,内容包括分子克隆的工具酶、凝胶电泳、常用载体、DNA 的制备、RNA 的制备和分析、DNA 文库的构建、重组 DNA 导入宿主、基因表达、利用核酸方法筛选鉴定重组子、蛋白质检测和分析、核酸测序、定位诱变和聚合酶链反应。书中附有大量参考资料,不失为一本极有价值的参考书和工具书。

本书可供生物技术、分子生物学、生物化学、生物物理、微生物、遗传学、医学及其他与重组 DNA 有关学科的研究工作者和大专院校的师生作为教材和参考书。

序

生物技术是与信息技术、材料技术并列的三大新技术之一。生物技术尤其是重组 DNA 技术正日益渗透到生物学的各个分支。新的资料迅速积累,新的方法不断涌现,其发展之迅速、涉及之广泛、研究之深入令人瞩目。在我国,生物技术也迅速发展,它已被列为国家“863”高技术和“八五”计划的一项重要研究内容。随着国民经济的发展,在下个世纪——人称“生物学世纪”中,相信我国的生物技术必将获得更大的发展,赶上世界生物科学的研究的先进水平。

“工欲善其事,必先利其器”。随着生命科学的发展,越来越多的科学工作者将利用重组 DNA 技术进行研究,同时重组 DNA 技术也日新月异,逐步完善。为了适应形势发展需要,李德葆和徐平同志主编了这本书,他们比较全面扼要地介绍了重组 DNA 技术的原理和方法,并在阐述原理的同时还比较了各种方法的优劣,列举了工作中可能遇到的问题及解决办法。该书内容丰富,方法新颖,是我国当前比较系统地介绍重组 DNA 技术的一本著作,具有较高的学术价值。它的出版无疑将有助于我国生物技术的研究和发展,为促进我国的科学技术事业作出应有的贡献。因此我很高兴地向读者推荐该书,希望广大读者在参考该书的同时,勇于探索,不断创新,为促进我国生物技术事业的发展而努力。



1993 年 4 月

前　　言

随着分子生物学的发展，重组 DNA 技术越来越多地渗入到生物学各学科，极大地促进了这些学科的发展。重组 DNA 技术在与这些学科结合的同时，也丰富了其自身的内 容，出现了一系列新技术和新方法，建立了一套更完善的现代分子生物学研究技术体系。科学家们预测，下个世纪生物学研究将有较大的发展。自然科学研究经历了物理、化学的鼎盛时期后，人们正在逐步揭开更复杂的生命现象的奥秘。所以，掌握重组 DNA 技术和方法，对于生物学工作者来说十分重要。

本书主要介绍重组 DNA 的原理和方法，全书共分十三章，包括分子克隆的工具酶、凝胶电泳、常用载体、DNA 的制备和分析、RNA 的制备、DNA 文库的构建、重组 DNA 导入宿主、基因表达、核酸方法筛选鉴定重组子、蛋白质检测和分析、核酸测序、定位诱变和聚合酶链反应(PCR)。它简明扼要地介绍了许多方法的原理和步骤，归纳了各种方法的特点，比较它们的优劣，并列举了实验中的常见问题和解决办法。读者可根据需要选用合适的方法进行实验，还可根据文献查找更详细的资料。在编写过程中，我们除介绍一些基本方法外，还尽量加入近几年发展的新方法和新技术，例如聚合酶链反应、精简 DNA 文库和脉冲凝胶电泳等，以反映重组 DNA 技术的最新发展。

本书由李德葆和徐平同志主编，参加编写工作的还有：朱伟光、孟征、李世君、陈雄风、钟静萍、陈卫良、余旭平、陈国强、陈集双。另外，许多老师和同学也提出了许多宝贵的意见。在编写过程中，浙江科技出版社的同志给予了大力支持，我们在此表示感谢。

限于编者的水平与经验，书中的缺点与错误在所难免，竭诚希望读者诸君批评指正。

编　　者

1993 年 3 月

常用名词缩写

A	adenosine	腺苷
AMV	avian myeloblastosis virus	禽成髓细胞瘤病毒
Ap	ampicillin	氨苄青霉素
BAP	bacterial alkaline phosphatas	细菌碱性磷酸酶
BCIP	5'-溴-4'-氯-3'-吲哚磷酸	
bp	base pair(s)	碱基对
BSA	bovine serum albumin	牛血清白蛋白
C	cytidine	胞苷
CAT	chloramphenicol acetyltransferase	氯霉素乙酰基转移酶
cDNA	complementary DNA	互补 DNA
cfu	colony forming unit	菌落形成单位
CHEF	contour-clamped homogeneous field electrophoresis	等高均匀电场电泳
CHO	Chinese hamster ovary	中国仓鼠卵巢
CIP	calf intestinal alkaline phosphatase	小牛肠碱性磷酸酶
Cm	chloramphenicol	氯霉素
cos	cohesive site	粘性位点
cpm	counts per minute	每分钟计数
Da	dalton	道尔顿
DEAE	diethylaminoethyl	二乙氨基乙基
DEPC	diethyl pyrocarbonate	焦碳酸二乙酯
DMSO	dimethyl sulfoxide	二甲基亚砜
dpm	disintegrations per minute	每分钟衰变
DTT	dithiothreitol	二硫苏糖醇
EDTA	ethylene diaminetetraacetic acid	乙二胺四乙酸
EGTA	ethyleneglycol bis (2-aminoethyl ether)tetraacetic acid	乙二醇双(2-氨基乙醚)四乙酸
ELISA	enzyme-linked immunosorbent assay	酶联免疫吸附测定
EMBL	European Molecular Biology Laboratory	欧洲分子生物学实验室
G	guanosine	鸟苷
G418	geneticin 418	遗传素 418, 氨基糖苷类抗生素
HAT	hypoxanthine, aminopterin and thymidine medium	次黄嘌呤, 氨基蝶呤和胸苷培养基
HEPES	N-2-hydroxyethylpiperazine-N'-2-ethanesulfonic acid	N-2-羟乙基哌嗪-N'-2-乙磺酸
HGPRT	hypoxanthine-guanine phosphoribosyl transferase	次黄嘌呤-鸟嘌呤磷酸核糖转移酶
HPLC	high-performance liquid chromatography	高效液相色谱
HRP	horseradish peroxidase	辣根过氧化物酶
IgG	immunoglobulin G	免疫球蛋白 G
IPTG	isopropylthio-β-D-galactoside	异丙基硫代-β-D-半乳糖苷

常用名词缩写

IS	insertion sequence	插入序列
kb	kilobase	千碱基
Km	kanamycin	卡那霉素
LB	Luria-Bertani	LB 培养基
LTR	long terminal repeat	长末端重复序列
MES	2-(N-morpholino) ethanesulfonic acid	2-(N-吗啉代)乙磺酸
Neo	neomycin	新霉素
nt	nucleotide	核苷酸
ORF	open reading frame	开读框
ori	origin of DNA replication	DNA 复制起点
PAGE	polyacrylamide gel electrophoresis	聚丙烯酰胺凝胶电泳
PBS	phosphate-buffered saline	磷酸缓冲盐溶液
PCR	polymerase chain reaction	聚合酶链反应
PEG	polyethylene glycol	聚乙二醇
PFGE	pulsed field gel electrophoresis	脉冲凝胶电泳
pfu	plaque forming unit	噬菌斑形成单位
PIPES	piperazine-N,N'-bis(2-ethanesulfonicacid)	六氢吡啶-N,N'-双(2-乙醇磺酸)
PMSF	phenylmethylsulfonyl fluoride	苯甲基磺酰氟
RF DNA	replicative form DNA	复制型 DNA
RFLP	restriction fragment length polymorphism	限制性片段长度多态性
RIA	radioimmunoassay	放射免疫测定
SD	Shine-Dalgarno	SD 序列
SDS	sodium dodecyl sulfate	十二烷基磺酸钠
SSB	single-stranded DNA binding protein	单链 DNA 结合蛋白
Str	streptomycin	链霉素
SV40	simian virus 40	猴病毒 40
T	thymidine	胸苷
TCA	trichloroacetic acid	三氯醋酸
TEMED	N,N,N',N'-tetra methyl ethylene diamine	N,N,N',N'-四甲基乙二胺
Tet	tetracycline	四环素
Tm	melting temperature	解链温度
TMACL	tetramethylammonium chloride	氯化四甲铵
Tn	transposon	转座子
Tris	tris(hydroxymethyl) aminomethane	三(羟甲基)氨基甲烷
X-gal	5-bromo-4-chloro-3-indolyl-β-D-galactoside	5-溴-4-氯-3-吲哚-β-D-半乳糖苷
XGPRT	xanthine-guanine phospho-ribosyl transferase	黄嘌呤-鸟嘌呤磷酸核糖转移酶
YAC	yeast artificial chromosome	酵母人工染色体

目 录

常用名词缩写

第1章 分子克隆的工具酶

1.1 限制酶	1
1.1.1 限制酶的发现和命名	1
1.1.2 I型和II型限制酶	2
1.1.3 II型限制酶	2
1.1.4 DNA甲基化	6
1.1.4.1 用常用的 <i>E. coli</i> 菌株进行甲基化	6
1.1.4.2 用甲基化酶进行甲基化	8
1.1.4.3 甲基化对DNA图谱分析的影响	16
1.1.5 限制酶酶切反应	17
1.1.5.1 酶切反应注意事项	17
1.1.5.2 酶切反应	21
1.1.5.3 酶切反应中常见问题	22
1.1.5.4 酶切产物的连接	24
1.2 分子克隆中的其他酶	25
1.2.1 酶的用途及反应条件	25
1.2.2 连接酶	28
1.2.2.1 T4 DNA连接酶	28
1.2.2.2 <i>E. coli</i> DNA连接酶	29
1.2.2.3 T4 RNA连接酶	29
1.2.3 聚合酶	29
1.2.3.1 DNA聚合酶I	30
1.2.3.2 Klenow片段	31
1.2.3.3 T4 DNA聚合酶	32
1.2.3.4 T7 DNA聚合酶	33
1.2.3.5 修饰的T7 DNA聚合酶	33
1.2.3.6 Taq DNA聚合酶	33
1.2.3.7 DNA末端转移酶	34
1.2.3.8 反转录酶	34
1.2.3.9 <i>E. coli</i> RNA聚合酶	36
1.2.3.10 噬菌体SP6、T7和T3 RNA聚合酶	36
1.2.3.11 多聚(A)聚合酶	37
1.2.3.12 鸟苷酸转移酶	37
1.2.4 核酸酶	37
1.2.4.1 绿豆核酸酶	37
1.2.4.2 核酸酶S1	37
1.2.4.3 核酸外切酶III	38
1.2.4.4 DNA酶I	38

1.2.4.5 核酸酶BAL31	39
1.2.4.6 λ噬菌体核酸外切酶	39
1.2.4.7 λ末端酶	40
1.2.4.8 尿嘧啶N-糖基酶	40
1.2.4.9 RNA酶H	40
1.2.4.10 RNA酶A	40
1.2.4.11 RNA酶T1	41
1.2.5 激酶和磷酸酶	41
1.2.5.1 T4多核苷酸激酶	41
1.2.5.2 碱性磷酸酶	42
1.2.5.3 氯霉素乙酰转移酶	42
1.2.6 DNA结合蛋白	42
1.2.6.1 单链DNA结合蛋白(SSB)	42
1.2.6.2 RecA蛋白	43
1.2.6.3 拓扑异构酶I	43
第2章 凝胶电泳	
2.1 影响凝胶电泳迁移率的因素	44
2.1.1 样品	44
2.1.2 电场	44
2.1.3 电泳环境	44
2.2 凝胶电泳的类型	45
2.2.1 琼脂糖凝胶电泳	45
2.2.1.1 琼脂糖凝胶性质	45
2.2.1.2 电泳装置	45
2.2.1.3 电泳缓冲液	46
2.2.1.4 凝胶浓度的选择	46
2.2.2 聚丙烯酰胺凝胶电泳	46
2.2.2.1 聚丙烯酰胺凝胶的性质	46
2.2.2.2 电泳装置	47
2.2.2.3 凝胶浓度的选择	47
2.2.3 DNA琼脂糖凝胶电泳	48
2.3.1 常规琼脂糖凝胶电泳	48
2.3.2 微型琼脂糖凝胶电泳	49
2.3.3 碱性琼脂糖凝胶电泳	50
2.3.4 脉冲凝胶电泳	51
2.3.4.1 脉冲凝胶电泳的原理及装置	51
2.3.4.2 脉冲凝胶电泳DNA的制备	53
2.3.4.3 脉冲电场凝胶电泳	54
2.4 RNA琼脂糖凝胶电泳	54
2.4.1 戊二醛变性电泳	55

目 录

2.4.2 甲醛变性电泳	56	3.1.1.2 质粒的不相容性	79
2.5 DNA 聚丙烯酰胺凝胶 DNA 电泳	57	3.1.1.3 选择标记	79
2.5.1 未变性聚丙烯酰胺凝胶电泳	57	3.1.1.4 移动性	80
2.5.2 变性聚丙烯酰胺凝胶电泳	59	3.1.1.5 质粒的分类	80
2.5.3 聚丙烯酰胺凝胶电泳中的常见问题及解决办法	60	3.1.1.6 质粒载体的优缺点	81
2.6 RNA 聚丙烯酰胺凝胶电泳	61	3.1.2 常用筛选方法	81
2.6.1 非变性圆盘聚丙烯酰胺凝胶电泳分离 RNA	61	3.1.2.1 插入失活筛选	81
2.6.2 变性聚丙烯酰胺凝胶电泳分离 RNA	62	3.1.2.2 α 互补筛选	81
2.6.2.1 甲酰胺凝胶	63	3.1.2.3 直接筛选	82
2.6.2.2 尿素凝胶	64	3.1.2.4 限制酶图谱筛选	82
2.7 蛋白质聚丙烯酰胺凝胶电泳	64	3.1.2.5 表达筛选	83
2.7.1 SDS 聚丙烯酰胺不连续凝胶电泳	64	3.1.2.6 核酸探针筛选	83
2.7.2 非变性不连续凝胶电泳	65	3.1.3 常用质粒载体图谱	84
2.7.3 蛋白质染色检测	66	3.1.3.1 pBR322	84
2.7.3.1 考马斯亮蓝染色	66	3.1.3.2 pUC18	84
2.7.3.2 银染	66	3.1.3.3 pGEM-3Z	84
2.7.3.3 其他蛋白质染色方法	67	3.1.3.4 pKK223-2	84
2.8 放射自显影和荧光自显影检测	68	3.1.3.5 pAN13	85
2.8.1 凝胶干燥	68	3.2 λ 噬菌体	85
2.8.1.1 SDS 聚丙烯酰胺凝胶的干燥	68	3.2.1 λ 噬菌体的性质	85
2.8.1.2 测序聚丙烯酰胺凝胶的干燥	68	3.2.1.1 λ 噬菌体基因组	85
2.8.1.3 琼脂糖凝胶的干燥	69	3.2.1.2 裂解生长	86
2.8.2 放射自显影	69	3.2.1.3 溶源生长	88
2.8.2.1 预曝光 X 光片	69	3.2.1.4 选择入噬菌体载体和宿主	88
2.8.2.2 放射自显影	69	3.2.1.5 λ 噬菌体的优缺点	90
2.8.3 荧光自显影	69	3.2.2 常用筛选方法	90
2.9 从凝胶中回收和纯化生物大分子	70	3.2.2.1 α -互补筛选	90
2.9.1 DNA 的回收	70	3.2.2.2 cI 基因插入失活筛选	90
2.9.1.1 压碎浸泡法	70	3.2.2.3 Spi 筛选	90
2.9.1.2 透析袋电洗脱法	71	3.2.2.4 包装片段筛选	91
2.9.1.3 低熔点琼脂糖凝胶法	71	3.2.2.5 同源重组筛选	91
2.9.1.4 DEAE-纤维素膜法	72	3.2.2.6 用表达载体筛选	92
2.9.1.5 琼脂糖酶法	73	3.2.2.7 核酸探针筛选	92
2.9.1.6 回收 DNA 的纯化处理	73	3.2.3 常用 λ 噬菌体载体图谱	92
2.9.2 RNA 的回收	74	3.2.3.1 卡龙 40	93
2.9.3 蛋白质的回收	75	3.2.3.2 EMBL3	93
2.10 凝胶电泳中常见的问题	75	3.2.3.3 λ gt10	93
第3章 常用载体		3.2.3.4 λ gt11	93
3.1 质粒	78	3.2.3.5 λ DASH	93
3.1.1 质粒的性质	78	3.2.3.6 λ ZAP/R	93
3.1.1.1 质粒的复制	78	3.3 丝状噬菌体	93
		3.3.1 丝状噬菌体的性质	93
		3.3.1.1 丝状噬菌体的性质	93
		3.3.1.2 丝状噬菌体载体的优缺点	95

3.3.2 常用筛选方法	97	3.8.2.2 Bin19	112
3.3.3 常用单链噬菌体载体图谱	97	3.9 动物细胞克隆载体	113
3.4 噬粒	97	第4章 DNA的制备	
3.4.1 噬粒的性质	97	4.1 质粒DNA的分离纯化	115
3.4.1.1 噬粒的组成	97	4.1.1 简介	115
3.4.1.2 噬粒载体的优缺点	98	4.1.2 微量提取质粒DNA	117
3.4.2 载体的使用	98	4.1.2.1 煮沸法	117
3.4.3 常用噬粒载体图谱	98	4.1.2.2 碱裂解法	117
3.4.3.1 pUC118	98	4.1.2.3 96-孔微量滴定板法	118
3.4.3.2 pGEM-3Zf	99	4.1.2.4 直接测定菌落中质粒大小	118
3.4.3.3 pBS SK	99	4.1.3 大量提取质粒DNA	119
3.4.3.4 M13KO7	99	4.1.3.1 细菌的收集	119
3.5 粘粒	99	4.1.3.2 碱裂解法	119
3.5.1 粘粒的性质	99	4.1.3.3 煮沸法	120
3.5.1.1 粘粒的组成	99	4.1.3.4 Triton 裂解法	120
3.5.1.2 粘粒中克隆	100	4.1.4 纯化质粒DNA	121
3.5.1.3 粘粒载体的优缺点	101	4.1.4.1 PEG 沉淀法	121
3.5.2 载体的使用	102	4.1.4.2 氯化铯/溴化乙锭平衡离心法	122
3.5.2.1 双酶切载体定向克隆	102	4.2 λ噬菌体DNA的分离纯化	123
3.5.2.2 双cos位点载体克隆	102	4.2.1 λ噬菌体的噬菌斑纯化	123
3.5.2.3 体内重组	102	4.2.1.1 通过系列稀释滴定分离单噬菌斑	123
3.5.3 常用粘粒载体图谱	105	4.2.1.2 通过划线接种法分离单噬菌斑	124
3.5.3.1 pJB8	106	4.2.1.3 挑取λ噬菌斑	124
3.5.3.2 c2RB	106	4.2.2 制备λ噬菌体原液	125
3.5.3.3 pWE15	106	4.2.2.1 平板裂解法	125
3.6 卡粒	106	4.2.2.2 液体裂解法	125
3.6.1 卡粒的性质	106	4.2.2.3 噬菌体裂解液的保存	126
3.6.2 载体的使用	107	4.2.3 制备噬菌体DNA	126
3.6.3 常用卡粒载体图谱	107	4.2.3.1 从大量液体裂解物中制备DNA	126
3.7 酵母克隆载体	107	4.2.3.2 从少量液体裂解物中制备DNA	127
3.7.1 酵母载体的性质	107	4.3 单链噬菌体DNA的分离纯化	128
3.7.2 用酵母载体克隆	109	4.3.1 M13噬菌体的噬菌斑纯化	128
3.7.3 常用酵母载体图谱	110	4.3.2 M13噬菌体单链DNA的制备	128
3.7.3.1 YIp5	110	4.3.3 M13噬菌体双链DNA的制备	129
3.7.3.2 YRp7	110	4.4 染色体DNA的分离纯化	129
3.7.3.3 YEpl24	110	4.4.1 细菌基因组DNA的制备	129
3.7.3.4 YCp50	111	4.4.1.1 微量制备法	129
3.7.3.5 YAC3	111	4.4.1.2 大量制备法	130
3.7.3.6 pJS97/pJS98	111	4.4.1.3 从基因组DNA制备液中除去存在的多糖	131
3.8 植物克隆载体	111	4.4.2 从植物组织提取基因组DNA	131
3.8.1 植物克隆载体的性质	111	4.4.3 从哺乳动物组织提取基因组DNA	132
3.8.2 常用植物载体图谱	112	4.4.4 琼脂糖凝胶电泳	133
3.8.2.1 pGV3850	112		

目 录

4.4.5 DNA 蔗糖梯度分级分离	133	5.2.2.1 RNA 酶保护分析	156
4.5 用有机溶剂抽提、纯化和浓缩核酸	134	5.2.2.2 凝胶电泳纯化 RNA 探针	159
4.5.1 酚：氯仿抽提、乙醇沉淀纯化核酸	134	5.2.3 引物延伸	159
4.5.2 用正丁醇浓缩 DNA	135	5.2.4 Northern 杂交	161
4.5.3 乙醇沉淀除去低分子量的寡核苷酸 和三磷酸	135	5.2.4.1 RNA 甲醛变性电泳	161
4.6 核酸色谱	135	5.2.4.2 RNA 乙二醛/DMSO 变性电泳	163
4.6.1 羟磷灰石柱分离单链和双链核酸	137	5.2.5 斑点杂交	163
4.6.2 凝胶过滤色谱	137	第6章 DNA 文库的构建	
4.6.2.1 Sephadex 的制备	137	6.1 构建文库需考虑的问题	165
4.6.2.2 常规柱色谱	137	6.1.1 载体	166
4.6.2.3 离心柱色谱	137	6.1.2 外源 DNA	166
4.6.2.4 Sepharose CL-4B 分级分离 cDNA	138	6.1.3 外源 DNA 片段与载体连接	167
第5章 RNA 的制备和分析		6.1.4 重组 DNA 导入 <i>E. coli</i>	169
5.1 RNA 的制备	139	6.1.5 文库筛选及保存	169
5.1.1 制备 RNA 时的注意事项	139	6.2 构建基因组文库	169
5.1.2 细菌 RNA 的制备	140	6.2.1 载体	169
5.1.2.1 从革兰氏阳性细菌中分离 RNA	140	6.2.2 外源片段	170
5.1.2.2 从革兰氏阴性细菌中快速 分离 RNA	141	6.2.2.1 基因组 DNA 文库的构建	171
5.1.3 动物细胞 RNA 制备	142	6.2.2.2 磷酸酶处理过的噬菌体臂 包装效率的测定	171
5.1.3.1 从培养细胞制备总 RNA	142	6.2.3 构建基因组文库的特殊方法	172
5.1.3.2 从组织中制备总 RNA	143	6.2.3.1 部分填补法	172
5.1.3.3 从培养细胞中制备细胞质 RNA	143	6.2.3.2 精简基因组文库	173
5.1.4 植物细胞 RNA 制备	144	6.2.4 构建基因组文库中常见的问题	174
5.1.5 多聚(A)RNA 的纯化	146	6.3 构建 cDNA 文库	174
5.1.5.1 寡聚(dT)纤维素纯化 mRNA	146	6.3.1 mRNA 的数量和质量	174
5.1.5.2 生物素标记寡聚(dT)纯化 mRNA	147	6.3.2 cDNA 的合成	175
5.1.5.3 用 DNA 纯化特定的 mRNA	147	6.3.2.1 cDNA 第一链的合成	175
5.1.6 分级分离 RNA	148	6.3.2.2 cDNA 第二链的合成	176
5.1.6.1 羟甲基汞琼脂糖凝胶电泳	148	6.3.2.3 cDNA 合成效率的测定	179
5.1.6.2 羟甲基汞蔗糖梯度离心	149	6.3.3 cDNA 克隆	180
5.1.7 RNA 制品的质量	150	6.3.3.1 利用接头克隆	180
5.2 RNA 分析	150	6.3.3.2 利用引物-转接头克隆	180
5.2.1 S1 分析	151	6.3.3.3 同聚尾克隆	180
5.2.1.1 M13 单链模板法	151	6.3.3.4 Okayama-Berg 载体克隆	181
5.2.1.2 质粒双链模板法	154	6.3.3.5 单链载体中克隆	181
5.2.1.3 寡核苷酸探针法	154	6.3.3.6 mRNA-cDNA 克隆	182
5.2.1.4 mRNA S1 定量分析的条件	155	6.3.4 精简 cDNA 文库	186
5.2.1.5 S1 分析经常出现的问题	156	6.3.4.1 精简 DNA 文库的建立	187
5.2.2 RNA 酶保护分析	156	6.3.5 cDNA 克隆中常见的问题	189
		6.4 文库的扩增和贮存	189
		6.4.1 λ 噬菌体文库的扩增	189
		6.4.2 粘粒文库的扩增	192

6.4.2.1 粘粒和质粒基因文库的扩增	192	7.5.5 转染方法的优化	218
6.5 文库的筛选	193	7.6 植物细胞的转化	220
6.5.1 文库的转移和复制	193	7.6.1 农杆菌介导的植物细胞转化	220
6.5.1.1 λ 噬菌体文库的转移	193	7.6.1.1 培养法	220
6.5.1.2 粘粒及质粒文库的转移	194	7.6.1.2 叶盘法	221
6.5.2 杂交筛选	195	7.6.1.3 活体接种与共感染法	222
6.5.2.1 用 DNA 片段作为探针	195	7.6.2 利用 PEG 的植物细胞转化	224
6.5.2.2 在甲酰胺溶液中杂交	195		
6.5.2.3 用人工合成的寡核苷酸作为探针	196		
6.6 亚克隆	198	第 8 章 基因表达	
6.6.1 DNA 片段的亚克隆	199	8.1 基因在 <i>E. coli</i> 细胞中表达	226
6.6.2 用低熔点琼脂糖亚克隆	200	8.1.1 表达载体结构	226
第 7 章 重组 DNA 导入宿主		8.1.2 融合蛋白表达载体	227
7.1 <i>E. coli</i> 的转化	201	8.1.2.1 表达融合蛋白的优点及其载体	227
7.1.1 CaCl_2 制备感受态 <i>E. coli</i> 细胞及其转化	201	8.1.2.2 表达载体的构建和融合蛋白的检测	227
7.1.2 电激高效转化	202	8.1.2.3 制备用于产生抗体的融合蛋白	228
7.2 λ 噬菌体体外包装	204	8.1.3 天然蛋白表达载体	229
7.2.1 从一种溶源菌中制备包装提取物及包装	205	8.1.3.1 原核基因的表达载体	229
7.2.2 从两种溶源菌中制备包装提取物及包装	206	8.1.3.2 真核基因的表达载体	231
7.2.2.1 超声波提取物的制备	206	8.1.4 其他表达载体	232
7.2.2.2 冻融裂解物的制备	207	8.1.4.1 分泌型表达载体	232
7.2.2.3 体外包装	207	8.1.4.2 切割型表达载体	234
7.3 单链噬菌体转染	208	8.1.5 提高表达效率	235
7.3.1 噬菌体 DNA 导入细胞	208	8.1.6 检测基因表达	235
7.3.2 插入方向的确定	208	8.1.6.1 检测基因表达的方法	235
7.4 酵母细胞的转化	209	8.1.6.2 用 β 半乳糖苷酶活性检测表达	236
7.4.1 原生质体法转化酵母	209	8.2 基因在哺乳动物中表达	236
7.4.2 乙酸锂法转化酵母	210	8.2.1 哺乳动物表达系统的用途	236
7.5 动物细胞的转化	210	8.2.2 哺乳动物表达载体	237
7.5.1 磷酸钙转染法	211	8.2.2.1 原核 DNA 序列	237
7.5.2 DEAE-葡聚糖转染法	212	8.2.2.2 启动子	237
7.5.2.1 用 DEAE-葡聚糖转染细胞	212	8.2.2.3 增强子	237
7.5.2.2 大量细胞的 DEAE-葡聚糖转染	213	8.2.2.4 拼接信号	237
7.5.2.3 悬浮细胞的 DEAE-葡聚糖转染	214	8.2.2.5 终止信号和多聚腺苷化信号	238
7.5.3 电激法	215	8.2.2.6 筛选标记	238
7.5.3.1 动物细胞电激转染法	215	8.2.2.7 真核病毒序列	240
7.5.3.2 植物原生质体电激转染法	216	8.2.3 几种常见的真核病毒载体	240
7.5.4 脂质体转染法	216	8.2.3.1 SV40 载体	240
7.5.4.1 用脂质体进行瞬时表达	216	8.2.3.2 BPV 载体	242
7.5.4.2 用脂质体进行稳定转化	217	8.2.3.3 EBV 载体	243
		8.2.3.4 反转录病毒载体	243
		8.2.3.5 痘病毒载体	244
		8.2.4 外源 DNA 序列	246
		8.2.5 宿主与载体系统	246

目 录

8.2.5.1 瞬时表达系统	247	9.3.1.1 分子杂交种类	278
8.2.5.2 稳定表达系统	247	9.3.1.2 反应条件对杂交的影响	278
8.2.5.3 转染 DNA 的扩增和诱导	248	9.3.2 Southern 杂交	280
8.2.6 转染方法	250	9.3.2.1 简介	280
8.2.7 融合基因的用途	250	9.3.2.2 Southern 转移和杂交方法	281
8.3 用杆状病毒载体在昆虫细胞中表达基因	253	9.3.3 Northern 杂交	285
8.3.1 杆状病毒生活周期	254	9.3.4 斑点杂交	285
8.3.2 杆状病毒表达系统	255	9.3.5 菌落原位杂交	285
8.3.3 用杆状病毒表达系统大量表达蛋白质	255	9.3.5.1 菌落原位杂交	285
9.3.5.2 λ噬菌斑原位杂交	287	9.4 基因在染色体上定位	288
第 9 章 核酸方法筛选鉴定重组子		9.4.1 染色体跳移	288
9.1 构建 DNA 酶切图谱	257	9.4.2 染色体步移	290
9.1.1 双酶切法	257	9.4.3 染色体缓移	290
9.1.2 部分酶切法	258	第 10 章 蛋白质检测和分析	
9.1.3 BAL 31 酶切法	261	10.1 蛋白质抽提	292
9.1.4 双向电泳末端标记法	262	10.2 蛋白质定量	293
9.2 探针的制备	262	10.2.1 Bradford 方法	293
9.2.1 双链 DNA 探针	263	10.2.2 Lowry 方法	293
9.2.1.1 切口平移法	263	10.3 常规色谱	294
9.2.1.2 随机引物合成法	265	10.3.1 凝胶过滤	294
9.2.2 单链 DNA 探针	266	10.3.2 离子交换色谱	297
9.2.2.1 从 M13 载体衍生序列合成探针	266	10.3.3 亲和色谱	300
9.2.2.2 从 RNA 合成单链 cDNA 探针	267	10.3.4 疏水相互作用色谱	302
9.2.3 末端标记 DNA 探针	268	10.3.5 纸上分配色谱	302
9.2.3.1 Klenow 片段标记 3' 末端	269	10.3.6 液液分配色谱	302
9.2.3.2 前向反应标记 5' 末端	269	10.3.7 共价色谱	302
9.2.3.3 交换反应标记 5' 末端	271	10.3.8 金属螯合色谱	303
9.2.4 寡核苷酸探针	272	10.3.9 常规色谱问题处理	303
9.2.4.1 寡核苷酸探针的类型及标记方法	272	10.4 高效液相色谱	304
9.2.4.2 T4 多核苷酸激酶标记寡核苷酸	273	10.4.1 反相高效液相色谱	304
9.2.4.3 乙醇沉淀纯化放射性标记寡核苷酸	274	10.4.2 离子交换高效液相色谱	306
9.2.4.4 酸沉淀法测定 DNA 和 RNA 中的放射强度	275	10.4.3 体积排阻高效液相色谱	308
9.2.4.5 柱色谱分离放射性标记的 DNA	276	10.4.4 高效聚焦色谱	309
9.2.5 RNA 探针	276	10.4.5 高效疏水相互作用色谱	309
9.2.6 非放射性探针	277	10.5 抗体的制备	309
9.2.6.1 生物素标记探针	277	10.5.1 多克隆抗体的制备	310
9.2.6.2 地高辛配基标记探针	277	10.5.1.1 肌肉注射免疫	311
9.2.6.3 辣根过氧化物酶标记探针	278	10.5.1.2 皮肉免疫	312
9.3 分子杂交	278	10.5.1.3 皮下免疫	312
9.3.1 简介	278	10.5.1.4 从耳动脉放血	313
		10.5.2 利用合成多肽制备抗体	313
		10.5.3 单克隆抗体的制备	314

10.5.4 抗体的纯化	315	11.2.5 化学测序法中常见问题	366
10.5.4.1 蛋白 A 纯化	315	11.3 其他测序方法	366
10.5.4.2 细胞抽提物吸附纯化	316	11.3.1 化学发光测序	366
10.6 免疫学测定	318	11.3.2 多重测序	367
10.6.1 免疫沉淀	318	11.3.3 自动测序	367
10.6.1.1 放射性标记表达目的蛋白质的细胞	319	11.3.4 用 PCR 测序	367
10.6.1.2 裂解细胞	320	11.3.5 磁铁珠分离单链测序	368
10.6.1.3 收集纯化抗原-抗体复合物	322	第 12 章 定位诱变	
10.6.1.4 凝胶电泳和放射自显影分析	323	12.1 缺失诱变	369
10.6.2 酶联免疫吸附测定法	324	12.1.1 简单缺失	369
10.6.2.1 辣根过氧化物酶标记抗体	325	12.1.2 系统缺失	370
10.6.2.2 ELISA	326	12.1.2.1 核酸外切酶 I	370
10.6.3 固相放射免疫测定	328	12.1.2.2 BAL 31	370
10.6.3.1 氯胺 T 碘化标记抗体	329	12.1.2.3 DNA 酶 I	370
10.6.3.2 双抗体固相放射免疫测定	330	12.1.2.4 T4 DNA 聚合酶	371
10.6.4 Western 印迹	331	12.2 插入诱变	371
10.6.4.1 Western 印迹	332	12.2.1 简单插入	371
10.6.4.2 固定在滤膜上蛋白质的染色	333	12.2.2 系统插入	372
10.6.5 荧光标记法	334	12.2.2.1 在 Mn^{2+} 存在下 DNA 酶 I 酶切后插入诱变	372
10.6.6 免疫检测中常见问题的处理	334	12.2.2.2 接头扫描诱变	372
10.7 克隆基因的体外转录和体外翻译	337	12.2.2.3 TAB 接头诱变	375
第 11 章 核酸测序		12.3 利用寡核苷酸诱变	376
11.1 双脱氧链末端终止法	341	12.3.1 诱变寡核苷酸的设计	376
11.1.1 简介	341	12.3.2 目的 DNA 模板的制备	377
11.1.2 反应前的准备	343	12.3.2.1 单链目的 DNA 模板的制备	377
11.1.2.1 反应的设计	343	12.3.2.2 双链目的 DNA 模板的制备	378
11.1.2.2 反应的材料	343	12.3.3 合成 DNA 突变体	378
11.1.3 测序的策略	345	12.3.3.1 双引物法	378
11.1.3.1 随机法	345	12.3.3.2 异源双链法	379
11.1.3.2 互套缺失法	346	12.3.3.3 核酸外切酶法	380
11.1.3.3 引物延伸法	353	12.3.3.4 盒式诱变法	381
11.1.4 模板的制备	354	12.3.4 筛选突变体	382
11.1.4.1 单链噬菌体模板的制备	354	12.3.5 提高诱变效率	383
11.1.4.2 变性双链模板的制备	355	12.3.5.1 利用尿嘧啶进行诱变	384
11.1.5 双脱氧链终止反应	355	12.3.5.2 利用 α -硫代 dNTP 诱变	386
11.1.6 凝胶电泳和放射自显影	356	12.4 酶法合成诱变	386
11.1.7 双脱氧测序法中常见问题	358	12.5 随机化学诱变	389
11.2 化学法	360	12.5.1 化学诱变剂	389
11.2.1 简介	360	12.5.1.1 亚硝酸诱变	390
11.2.2 反应前的准备	361	12.5.1.2 胍胺诱变	390
11.2.3 模板的制备	363	12.5.1.3 亚硫酸盐诱变	390
11.2.4 化学裂解反应	363	12.5.1.4 肽诱变	390

目 录

12.5.1.5 弱酸诱变	390	3.1.1 液体培养基	418
12.5.2 化学诱变中的注意事项	390	3.1.2 固体培养基	420
12.5.2.1 载体损伤	390	3.2 λ 噬菌体工作溶液	421
12.5.2.2 突变的分布	391	3.3 酵母培养基	422
12.5.2.3 目的片段的选择	391	3.4 植物基本培养基	422
12.5.2.4 载体的选择	391	3.5 常用 <i>E. coli</i> 菌株及基因型	424
第 13 章 聚合酶链反应(PCR)		3.6 常用抗菌素	426
13.1 PCR 的用途	393	4 常用试剂	427
13.2 PCR 的过程	394	4.1 常用溶液	427
13.2.1 原理	394	4.2 其他酶制品	430
13.2.2 反应成分	394	4.3 常用酶反应缓冲液	431
13.2.2.1 引物	394	5 常用数据	433
13.2.2.2 Taq DNA 聚合酶	395	5.1 核酸和蛋白质常数	433
13.2.2.3 反应缓冲液	395	5.1.1 常用数据及转换	433
13.2.2.4 模板 DNA	396	5.1.2 三磷酸核苷酸分子量	433
13.2.2.5 其他成分	396	5.1.3 氨基酸分子量	434
13.2.3 反应参数	396	5.1.4 遗传密码	435
13.2.4 注意事项	398	5.1.5 常用核酸和蛋白质分子量标准物	435
13.3 PCR 方法	399	5.1.6 各种生物基因组长度	436
13.3.1 快速扩增 cDNA 末端	399	5.2 同位素数据	437
13.3.2 反向 PCR	401	5.3 Tris·Cl 缓冲液 pH 值与温度关系	437
13.3.3 用简并引物扩增 cDNA	401	6 常用方法	438
13.3.4 定量 PCR	401	6.1 细菌的培养和生长	438
13.3.5 不对称 PCR	402	6.1.1 细菌的液体培养	438
13.3.6 引物竞争 PCR	403	6.1.2 细菌的固体培养	438
13.4 利用 PCR 进行分子克隆	403	6.1.3 菌株保存和复壮	439
13.4.1 利用 PCR 进行重组和诱变	403	6.1.4 <i>E. coli</i> 细胞常用数据	439
13.4.2 利用 PCR 扩增 RNA	406	6.2 器皿硅烷化	439
13.4.3 利用 PCR 测序	407	6.3 放射自显影	440
13.4.3.1 常规 PCR 测序	407	6.4 透析袋的处理	440
13.4.3.2 不对称 PCR 测序	408	6.5 核酸常用方法	441
13.4.4 利用 PCR 定量 DNA	409	6.5.1 DNA 和 RNA 的定量	441
附录		6.5.2 核酸的抽提和沉淀	441
1 实验室的安全	411	6.5.3 核酸浓缩	441
2 分子生物学实验室设备	416	6.5.4 放射性测定	441
3 常用培养基及菌株	418	参考文献	443
3.1 细菌培养基	418		

第1章 分子克隆的工具酶

限制酶和其他修饰酶是分子生物学家进行DNA操作的基本工具，由于各种限制酶和修饰酶的发现，使分子克隆的方法不断创新，克隆工作更简单，应用范围更广。克隆(clone)是指通过无性繁殖从同一个祖先衍生的一群细胞或生物体，这些细胞和生物体基因型相同。例如由一个*Escherichia coli* 细胞衍生的、带有相同插入序列重组DNA分子的群体。本章将介绍分子克隆中重要酶类的性质及用途。

1.1 限制酶

1.1.1 限制酶的发现和命名

Luria 和 Human (1952) 在研究T偶数噬菌体时，以及 Bertani 和 Weigle (1953) 在研究 λ 噬菌体和P2噬菌体的宿主范围时都发现，当一个噬菌体从其天然宿主(如*E. coli* C菌株)转到另一种宿主(如*E. coli* K菌株)细胞中时，大多数噬菌体不能生长和扩增，但个别幸存的噬菌体在第二种宿主(*E. coli* K菌株)中繁殖产生的子代却能够在该宿主中正常生长和扩增。当将这种噬菌体再在第一种宿主(*E. coli* C菌株)中生长一个循环后，就又不能在第二种宿主(*E. coli* K菌株)中正常扩增(图1.1)。为此人们提出了限制/修饰系统来解释这种现象(Arber等，1963)，人们假设在*E. coli* K中存在一对酶：限制酶(限制性内切酶)和修饰酶(DNA甲基化酶)。当外源DNA进入*E. coli* K细胞时，由于未经*E. coli* K中的修饰酶修饰，故很容易被限制酶切割降解。而*E. coli* K本身产生的内源DNA由于经过修饰酶修饰，所以不被限制酶切割降解。例如图1.1中在*E. coli* K菌株中存在限制/修饰系统，未经修饰的外源DNA(来自*E. coli* C)会被该限制系统降解。*E. coli* K本身产生的DNA由于经过修饰酶修饰故不会被降解，因而可大量扩增。在*E. coli* C中不存在限制/修饰系统，它既不能限制切割外源DNA，也不能修饰内源的DNA。故所产生的DNA会被其他具限制系统的宿主降解。

随后，人们在*E. coli* K和B菌株中发现了I型限制酶(Meselson和Yuan, 1968; Linn和Arber, 1968)和II型限制酶(Smith和Wilcox, 1970)，从而使人们的这种假设得到证实。目前

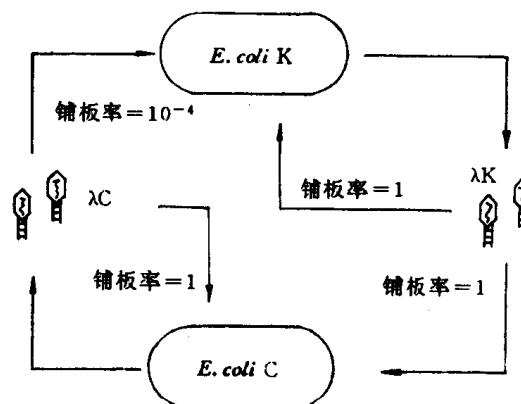


图1.1 宿主的限制和修饰系统

在*E. coli* K宿主和*E. coli* C宿主中生长的噬菌体(λK和λC)在不同宿主中的铺板率不同。*E. coli* K具有限制和修饰系统，*E. coli* C没有限制和修饰系统。