



Data Analysis with R for Beginners

零基础学R语言数据分析

从机器学习、数据挖掘、文本挖掘到大数据分析

李仁钟 李秋缘 编著



清华大学出版社

零基础学 R语言数据分析

从机器学习、数据挖掘、文本挖掘到大数据分析

李仁钟 李秋缘 编著



清华大学出版社
北京

内 容 简 介

本书共分 14 章，内容主要有 R 语言简介、数据读取与写入的方法，条件判断、循环等流程控制以及自定义函数，高级绘图、低级绘图、交互式绘图的说明，决策树、支持向量机、人工神经网络的介绍，基本统计、机器学习、数据挖掘、文本挖掘、大数据分析的应用，层次聚类法、K 平均聚类算法、模糊 C 平均聚类算法、聚类指标、基因算法及人工蜂群算法的应用。

本书适合没有程序设计经验、想要接触 R 语言的人以及对统计、机器学习、数据挖掘、文本挖掘、大数据分析有兴趣的人阅读。

本书为博硕文化股份有限公司授权出版发行的中文简体字版本

北京市版权局著作权合同登记号 图字：01-2018-1990

本书封面贴有清华大学出版社防伪标签，无标签者不得销售。

版权所有，侵权必究。侵权举报电话：010-62782989 13701121933

图书在版编目 (CIP) 数据

零基础学 R 语言数据分析：从机器学习、数据挖掘、文本挖掘到大数据分析 / 李仁钟，李秋缘编著. —北京：清华大学出版社，2018

ISBN 978-7-302-51080-2

I. ①零… II. ①李… ②李… III. ①程序语言—程序设计 IV. ①TP312

中国版本图书馆 CIP 数据核字 (2018) 第 195645 号

责任编辑：夏毓彦

封面设计：王翔

责任校对：闫秀华

责任印制：李红英

出版发行：清华大学出版社

网 址：<http://www.tup.com.cn>，<http://www.wqbook.com>

地 址：北京清华大学学研大厦 A 座 邮 编：100084

社总机：010-62770175 邮 购：010-62786544

投稿与读者服务：010-62776969，c-service@tup.tsinghua.edu.cn

质量反馈：010-62772015，zhiliang@tup.tsinghua.edu.cn

印装者：三河市铭诚印务有限公司

经 销：全国新华书店

开 本：190mm×260mm 印 张：17.75 字 数：454 千字

版 次：2018 年 10 月第 1 版 印 次：2018 年 10 月第 1 次印刷

定 价：59.00 元

产品编号：078581-01

序

有人可能会问：近几年来，为什么 R 语言在较受欢迎的各种编程语言排行榜中逐年攀升？源于统计领域、广泛使用的 R 程序设计语言具有什么魔力吗？这是因为互联网时代带来了海量的数据，而 R 是较受欢迎的科学数据语言。如果你的工作和研究与数据科学有关，或者你现在想入门数据科学，那么推荐你学习 R 语言。

R 语言与生俱来就拥有数据统计和分析的 DNA，而且 R 语言本身并不是独立存在的程序设计语言。更准确地说，R 语言以集成在一个 R 系统或环境中的方式呈现在我们面前，这个 R 系统集数据计算、数据处理、统计分析和图形绘制等软件包于一体，是一个完整的数据科学工具软件。

如今，以互联网大数据分析为基础的人工智能，如机器学习、商业智能、数据挖掘、文本挖掘、数据可视化等领域都渴求强大、高效的数据科学工具，这种渴求让 R 大放异彩。R 系统本身就是一个开放的系统，除了传统的数据统计分析/绘图等软件包，现在更增加了机器学习、数据和文本挖掘、大数据分析等相关的诸多程序包，让 R 语言在这些领域成为“光彩夺目”的明星。

如果你对上述热门的领域之一感兴趣，并且想将 R 引入你的工作或研究中，那么本书就是一本快速参考指南。本书也可以作为完全不懂 R 软件及数据分析的读者自学 R 语言的第一本读物。本书各章提供了丰富的范例程序，因而也可以作为大专院校 R 语言的上机实践课教材。

资深架构师 赵军

2018年6月

前 言

随着 R 软件的流行及普及化，许多学者和专家转而使用 R 作为研究与开发的工具。R 软件有 Windows、UNIX、Linux 及 Apple MacOS 等不同操作系统的免费版本，更有一万种以上免费程序包可供使用，所以学习 R 软件是睿智的选择。

本书内容共有 14 章，前 4 章先介绍 R 软件的基本操作和应用，第 5 章对本书所使用的程序包做完整的介绍，包含 R 软件在机器学习 (Machine Learning)、数据挖掘 (Data Mining)、文本挖掘 (Text Mining) 及大数据 (Big Data) 分析的相关程序包，第 6~9 章介绍各类学习算法，第 10~12 章介绍关联规则、网络社群分析及文本挖掘、图形化数据分析工具，最后两章介绍 Hadoop 和 Spark 大数据分析。

本书是作者多年来从事教学的心血结晶，适合作为大专院校信息类相关科系的教材，同时书中范例的程序代码丰富，也可作为练习的补充教材。本书的撰写以完全不懂 R 软件及数据分析的读者为对象，对于有意愿自学的读者而言，本书也是一本不错的入门参考书。

本书配套范例程序可从下面的网址 (注意区分数字和字母大小写) 下载或扫描右边的二维码获取：

<https://pan.baidu.com/s/17b-xnYfhICguW4wSz8pWXA>

如果下载有问题，请联系 booksaga@126.com，邮件主题为“零基础学 R 语言数据分析：从机器学习、数据挖掘、文本挖掘到大数据分析”。



本书的撰写虽已力求完美，但难免会有疏漏之处，欢迎各位读者指教。

李仁钟、李秋缘
2018 年 6 月

目 录

第 1 章 R 简介.....	1
1.1 开始使用 R 软件.....	1
1.2 R 对象.....	4
1.2.1 向量.....	4
1.2.2 数组.....	5
1.2.3 矩阵.....	7
1.2.4 数据框.....	9
1.2.5 因子.....	11
1.2.6 列表.....	11
1.2.7 对象转换.....	12
第 2 章 数据的读取与写入.....	14
2.1 数据的读取.....	14
2.2 数据的写入与数据集.....	17
2.3 RData 格式数据的写入与读取.....	18
2.4 读取 SQL Server 数据库的数据.....	19
第 3 章 流程控制及自定义函数.....	20
3.1 条件执行.....	20
3.2 循环控制.....	22
3.3 自定义函数.....	25
第 4 章 绘图功能及基本统计.....	27
4.1 高级绘图.....	27

4.2	低级绘图	30
4.3	交互式绘图	31
4.4	图形参数	32
4.5	基本统计	34
第 5 章	相关程序包的介绍.....	39
5.1	机器学习	39
5.2	数据挖掘	40
5.3	社交网络分析及文本挖掘	40
5.4	大数据分析	41
5.5	程序包的介绍	41
第 6 章	监督式学习	51
6.1	决策树	51
6.2	支持向量机	61
6.3	人工神经网络	65
6.4	组合方法	70
6.4.1	随机森林	70
6.4.2	推进法	71
第 7 章	无监督式学习.....	72
7.1	层次聚类法	72
7.2	K 平均聚类算法	75
7.3	模糊 C 平均聚类算法.....	77
7.4	聚类指标	83
第 8 章	进化式学习	86
8.1	基因算法	86
8.2	人工蜂群算法	92

第 9 章 混合式学习	95
9.1 使用 C50 和 ABCoptim 程序包范例	95
9.2 使用基因算法来调整人工神经网络参数的范例	97
第 10 章 关联规则	107
10.1 关联规则简介	107
10.2 Apriori 算法	108
第 11 章 社交网络分析和文本挖掘	117
11.1 社交网络分析	117
11.2 文本挖掘	122
第 12 章 图形化数据分析工具	125
12.1 导入数据	126
12.1.1 处理数据集	130
12.1.2 设置变量	131
12.2 探索和测试数据	131
12.3 转换数据	135
12.4 建立、评估和导出模型	137
第 13 章 大数据分析 (R+Hadoop)	141
13.1 Hadoop 简介	141
13.2 R+Hadoop	142
第 14 章 SparkR 大数据分析	170
14.1 dplyr 数据处理程序包	172
14.2 SparkR 数据处理	175
14.3 SparkR 与 SQL Server	181
14.4 SparkR 与 Cassandra	184
14.5 Spark Standalone 模式	186
14.6 SparkR 数据分析	189

附录 A 下载和安装 R.....	197
附录 B 安装 RStudio Desktop.....	203
附录 C 安装 ODBC.....	209
附录 D 指令及用法.....	214
附录 E 在虚拟机上安装 R+Hadoop.....	218
附录 F 在虚拟机上安装 SparkR.....	247
参考文献.....	272

第 1 章 R 简介

R 是统计软件，也是一种程序设计语言。R 当初是由 Ross Ihaka 与 Robert Gentleman 开发的，类似于 AT & T 贝尔实验室 Rick Becker、John Chambers 与 Allan Wilks 等人所开发的 S 语言。R 有 Windows、UNIX、Linux 及 Apple MacOS 等不同操作系统的版本。R 目前开发的核心团队是由世界各地不同机构所组成的，其网站位于 <https://www.r-project.org>，在此网站上可参阅许多有关 R 的文件、书籍及信息。R 软件的应用领域包含统计分析、数据挖掘、机器学习、推荐系统、文本挖掘及大数据分析等。

本章重点内容：

- 开始使用 R 软件
- R 对象

1.1 开始使用 R 软件

R 软件的最新版本可到网站 <http://www.r-project.org> 中下载，单击网页左边下载区 Download 下的 CRAN(Comprehensive R Archive Network)，再从 CRAN 中选择 CRAN Mirrors 的镜像(Mirror)网站，从中下载适合用户操作系统的最新版本。用户安装 R 软件后，也可到 <http://www.rstudio.com/> 下载 RStudio。RStudio 是一个为 R 设计的集成操作软件。R 及 RStudio 在 Windows 操作系统中的安装步骤可参考附录 A 和附录 B。

R 网站中提供了功能非常强大的工具集，用户可以从 CRAN 上安装相关程序包 (Package)，R 提供了一万个以上免费的程序包。当用户的计算机连接到网络后，若使用 Windows 版本，则可以很容易地通过“程序包”菜单来安装程序包。用户可从该菜单中选择“加载程序包”选项来选择可用的程序包。当用户选择想要的程序包后，R 软件将下载所选择的程序包并自动进行安装。在本书中除了第 13、14 章外，主要的范例和操作都在 Windows 操作系统下进行，如果用户在 UNIX、Linux 或者 Apple MacOS 上执行 R 软件，可能需要进行微调。用户也可以自行安装程序包，例如安装 C5.0 决策树程序包“C50”（注意英文字母大小写的意义是不同的），只需要在 R 提示符“>”后输入以下指令即可（注意：当提示符为“+”时，表示程序正在执行中，或者正在等待未完成的指令）。

```
> install.packages("C50")
```

用户可使用以下指令来使用 C50 程序包中提供的函数：

```
> library(C50)
```

若是要删除已安装的程序包，例如 C50 程序包，用户可以使用下面的指令：

```
> remove.packages("C50")
```

有些程序包无法在 CRAN “程序包”下的“加载程序包”选项中找到，此时用户需先到适当网站下载程序包的 ZIP 文件，再使用“程序包”下的“Install Package(s) from local files...”选项来安装。例如，用户要使用 ANN 程序包，需先到 <http://cran.r-project.org/src/contrib/Archive/ANN/> 下载 ANN_0.1.4.zip，再选择“Install Package(s) from local files...”来安装，安装后可使用以下指令来调用 ANN 程序包中提供的函数：

```
> library(ANN)
```

如果用户想要知道计算机中已经安装了哪些程序包，可以输入：

```
> installed.packages()
```

其输出结果包含程序包版本信息等较复杂的信息。为了方便用户使用，可以使用 library() 来查看已安装程序包的简易信息：

```
> library()
```

此外，用户可以使用下面的指令来更新所有已安装的程序包：

```
> update.packages()
```

R 软件是一种语法非常简单的表达式语言 (Expression Language)。R 语言通过对象 (Object) 来运行，这些对象使用它们的名称 (Name) 和值 (Content, 或内容) 来描述其特性。对象名称 (变量) 的第一个字母必须为英文字母或句点 “.”，若以句点当对象的第一个字母，则其后接的第一个字符不能为数字，例如 .2iswrong 是不能作为对象名称的。对象不需要事先声明，但其名字的英文字母大小写代表不同的对象，因此 X 和 x 是不同的对象。R 语言保留了一些用于指令名称的保留字，如 c 与 NA 等。R 语言可使用赋值 (Assignment) 表达式 “<-” 来给对象赋值 (也可以使用 “=” 号)，例如：

```
> x <- 10
> x
[1] 10

> X <- x^2
> X
[1] 100
> z <- sqrt(X)
> z
[1] 10
```

其次，也可以通过对象的数据种类 (属性, Attribute) 来描述对象的特性，也就是说，作用于一个对象的函数取决于其对象的属性。所有对象都有两个内在属性：数据类型 (Mode) 和长度 (Length)。对象中的元素 (Element) 共有 4 种基本数据类型：数值 (Numeric)、字符 (Character)、

复数 (Complex) 和逻辑 (Logical), 虽然也存在其他数据类型, 但是并不能用来表示数据, 例如函数 (Function)、表达式 (Expression); 长度 (Length) 属性用于表示对象中元素的数量。对象的数据类型和长度可以分别通过函数 `mode()` 和 `length()` 来获取。

```
> x <- 10
> x [1] 10

> mode(x)
[1] "numeric"

> length(x)
[1] 1
```

如果要在同一行内执行多条指令, 那么可以用分号 “;” 隔开 R 指令, 例如:

```
> x <- 10; y <- x^2; z <- sqrt(y)
> z
[1] 10
```

注释可以放在程序中的任何地方, 从 “#” 号开始到句子结束之间的语句就是注释, 例如:

```
> x <- 10                #整数型数值
> x
[1] 10
> mode(x)
[1] "numeric"
> length(x)
[1] 1
> y <- 10.9             #实数型数值
> y
[1] 10.9
> mode(y)
[1] "numeric"
> length(y)
[1] 1
> z <- T                #逻辑
> z
[1] TRUE
> mode(z)
[1] "logical"
> length(z)
[1] 1
> a <- "Hello"         #文本
> a
[1] "Hello"
> mode(a)
[1] "character"
> length(a)
[1] 1
> z <- 4+2i            #复数
> z
```

```
[1] 4+2i
> mode(z)
[1] "complex"
> length(z)
[1] 1
```

1.2 R 对象

R 是以面向对象为主的程序设计语言，其常用对象可以是向量 (Vector)、数组 (Array)、矩阵 (Matrix)、因子 (Factor)、数据框 (Data Frame) 及列表 (List) 等。

1.2.1 向量

向量是由包含相同数据类型的元素组成的，R 程序中最简单的结构就是由一串有序数值构成的数值 (Numeric) 向量。假如用户要创建一个含有 6 个数值的向量 V，且其值分别为 10、5、3.1、6.4、9.2 和 21.7，则 R 程序中的指令为 c() 函数。

```
> V <- c(10, 5, 3.1, 6.4, 9.2, 21.7)
> V
[1] 10.0 5.0 3.1 6.4 9.2 21.7
> length(V)
[1] 6
> mode(V)
[1] "numeric"
```

也可以使用 assign() 函数来实现相同的功能：

```
> assign("V", c(10, 5, 3.1, 6.4, 9.2, 21.7))
> V
[1] 10.0 5.0 3.1 6.4 9.2 21.7
> length(V)
[1] 6
> mode(V)
[1] "numeric"
```

在某些情况下，向量的元素可能会遗失。当向量中的元素为缺失值 (Missing Value) 时，其相关位置可给予一个特定的值 NA (需为大写)。

```
> V <- c(10, 5, NA, 6.4, 9.2, 21.7)
> V
[1] 10.0 5.0 NA 6.4 9.2 21.7
```

用户可以使用中括号 “[]” 来存取向量中的特定元素。值得注意的是，R 程序向量对象默认的第一个元素的序号 (Index，也称为下标或者索引) 是 1 而不是 0。

```
> V[2]
[1] 5
```


R 还提供了 Inf、-Inf 及 NaN (Not a Number)，而 NULL 是指对象的长度是 0。

```
> V <- c(1,-2,0)
> V/0
[1] Inf -Inf NaN

> V <- NULL
> length(V)
[1] 0
```

用户也可使用冒号 “:” 创建向量。

```
> V2=1:10
> V2
[1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10

> V2[1]
[1] 1

> V2[2:4]
[1] 2 3 4
```

1.2.2 数组

数组可以看作是多维的向量。例如，一个 3 维的数组 X 可以用 $X[i,j,k]$ 来指向特定元素。假设数组 X 的维度向量是 $c(3,4,2)$ ，则 X 中有 $3 \times 4 \times 2=24$ 个元素，依次为 $X[1,1,1], X[2,1,1], \dots, X[2,4,2], X[3,4,2]$ 。

假设 X 是一个包含 24 个元素的向量：

```
> X <- 1:24
```

用户可以使用 `dim()` 函数指定其数组维数 (Dimension)，让 X 变成一个 $3 \times 4 \times 2$ 的 3 维数组，而 R 程序会按照行的方式排列：

```
> dim(X) <- c(3,4,2)
> X
, , 1
     [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]   1   4   7  10
[2,]   2   5   8  11
[3,]   3   6   9  12

, , 2
     [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]  13  16  19  22
[2,]  14  17  20  23
[3,]  15  18  21  24
```

用户可以让 X 变成一个 4×6 的 2 维数组：

```
> dim(X) <- c(4,6)
> X

     [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6]
[1,]   1   5   9  13  17  21
[2,]   2   6  10  14  18  22
[3,]   3   7  11  15  19  23
[4,]   4   8  12  16  20  24
```

要创建一个数组，也可以直接调用 `array()` 函数来创建，此函数第一个参数指定数据向量，第二个参数指定数组维数。假设要创建一个 $3 \times 4 \times 2$ 的 3 维数组：

```
> X <- array(1:24, dim = c(3,4,2))
> X
, , 1

     [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]   1   4   7  10
[2,]   2   5   8  11
[3,]   3   6   9  12

, , 2

     [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]  13  16  19  22
[2,]  14  17  20  23
[3,]  15  18  21  24
```

假设要创建一个 4×6 的 2 维数组：

```
> X <- array(1:24, dim = c(4,6))
> X

     [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6]
[1,]   1   5   9  13  17  21
[2,]   2   6  10  14  18  22
[3,]   3   7  11  15  19  23
[4,]   4   8  12  16  20  24
```

值得注意的是，以下指令会创建一个所有元素都是 0 的 3 维数组：

```
> X <- array(0, dim = c(3,4,2))
> X
, , 1

     [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]   0   0   0   0
[2,]   0   0   0   0
[3,]   0   0   0   0

, , 2
```

```

      [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,]  0   0   0   0
[2,]  0   0   0   0
[3,]  0   0   0   0

```

也可以使用 `rbind()` 和 `cbind()` 函数来创建数组。`rbind()` 表示按向量行 (Row) 合并成一个数组, 而 `cbind()` 是使用列的方式合并:

```

> X1 <- c(1,2,3,4)
> X2 <- c(5,6,7,8)
> X  <- rbind(X1,X2)
> X
      [,1] [,2] [,3] [,4]
X1    1   2   3   4
X2    5   6   7   8
> X <- cbind(X1,X2)
> X
      X1 X2
[1,]  1  5
[2,]  2  6
[3,]  3  7
[4,]  4  8

```

1.2.3 矩阵

矩阵 (Matrix) 就是一个 2 维数组, 要创建一个矩阵, 可以使用函数 `matrix()` :

```
matrix(data = NA, nrow = 1, ncol = 1, byrow = FALSE,
dimnames = NULL)
```

其中 :

`byrow` 表示矩阵数据是按行还是按列 (`byrow = FALSE`) 的顺序排列。

`nrow` 表示矩阵的行数。

`ncol` 表示矩阵的列数。

`dimnames` 表示可以帮行列命名。

```

> X <- matrix(1:24, nrow=4, ncol=6, byrow=TRUE)
> X
      [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6]
[1,]  1   2   3   4   5   6
[2,]  7   8   9  10  11  12
[3,] 13  14  15  16  17  18
[4,] 19  20  21  22  23  24

> X <- matrix(1:24, nrow=4, ncol=6, byrow=FALSE)
> X
      [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6]

```



```
[1,] 1 5 9 13 17 21
[2,] 2 6 10 14 18 22
[3,] 3 7 11 15 19 23
[4,] 4 8 12 16 20 24
```

也可以使用 `rbind()` 和 `cbind()` 函数来创建矩阵。`t()` 是矩阵的转置 (Transposition) 函数, `nrow()` 和 `ncol()` 函数分别返回矩阵的行数和列数。

```
> X1 <- c(1,2,3)
> X2 <- c(4,5,6)
> X3 <- c(7,8,9)
> X <- cbind(X1,X2,X3)
> X
      X1 X2 X3
[1,] 1 4 7
[2,] 2 5 8
[3,] 3 6 9
> Y=t(X)
> Y
      [,1] [,2] [,3]
X1     1     2     3
X2     4     5     6
X3     7     8     9

> m <- nrow(Y)
> m
[1] 3
> n <- ncol(Y)
> n
[1] 3
```

若要显示矩阵 X 第一行元素, 则可使用:

```
> X[,1]
[1] 1 2 3
```

若要显示矩阵 X 第二列元素, 则可使用:

```
> X[2,]
X1 X2 X3
2 5 8
```

若要显示矩阵 X 第一列和第三列元素, 则可使用:

```
> X[c(1,3),]
      X1 X2 X3
[1,] 1 4 7
[2,] 3 6 9
```

若要删除矩阵 X 第一行元素, 则可使用:

```
> X[,-1]
      X2 X3
[1,] 4 7
[2,] 5 8
```