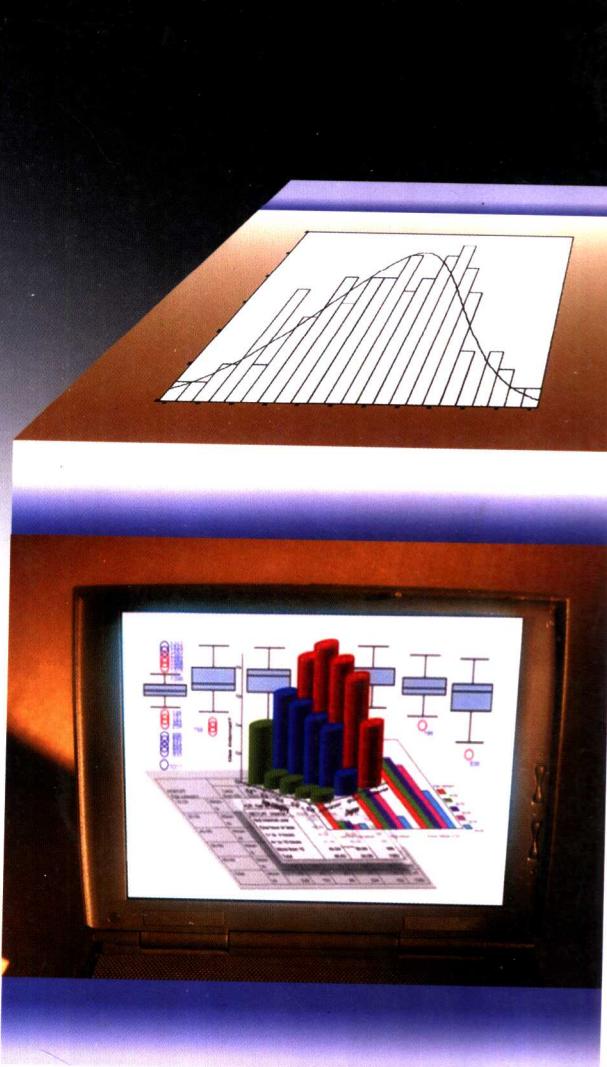


马斌荣 编著

21世纪高等院校教材——医学类

SPSS for Windows Ver. 11.5  
在医学统计中的应用  
(第三版)



21世纪高等院校教材——医学类

# SPSS for Windows Ver.11.5 在医学统计中的应用

(第三版)

马斌荣 编著

科学出版社

北京

## 内 容 简 介

SPSS是世界上通用的统计软件包之一,它广泛适用于各个学科领域,深受用户欢迎。本书从医学科研中的实际问题出发,深入浅出地介绍了如何正确使用SPSS for Windows Ver.11.5软件包进行统计问题的分析,包括统计方法的选择、软件的操作、对结果的解释等,突出实用性,期望给读者提供一个简单、明了、正确的进行医学科研数据处理的方法。第三版使用了新的软件版本,在内容上继续保持上一版的特色,并增加了更多实用内容和更多例题。

本书适用于医学院校的师生、医疗卫生系统中的科研工作者,以及相关领域的研究生、参加继续教育的医务工作者等。

### 图书在版编目(CIP)数据

SPSS for Windows Ver.11.5 在医学统计中的应用 / 马斌荣编著 . —3 版 .  
—北京 : 科学出版社 , 2004.2  
21 世纪高等院校教材 — 医学类  
ISBN 7-03-012678-5  
I . S … II . 马 … III . 医学统计 → 统计分析 - 软件包 , SPSS  
IV . R195.1-39  
中国版本图书馆 CIP 数据核字 (2003) 第 122972 号

责任编辑 : 周 辉 / 陆珊年 / 责任校对 : 钟 洋

责任印制 : 安春生 / 封面设计 : 陈 敏

科学出版社出版

北京东黄城根北街 16 号

邮政编码 : 100717

<http://www.sciencep.com>

源海印刷有限公司印刷

科学出版社发行 · 各地新华书店经销

\*

1998 年 9 月第 一 版 开本 : B5(720 × 1000)  
2001 年 7 月第 二 版 印张 : 19  
2004 年 2 月第 三 版 字数 : 372 000  
2004 年 2 月第五次印刷 印数 : 15 001—19 000

定价 : 28.00 元

(如有印装质量问题, 我社负责调换〈路通〉)

## 第三版序言\*

《SPSS for Windows 在医学科研统计中的应用》自 1998 年 9 月第一版，2001 年 7 月第二版出版以来，在全国已被很多医学院校选为医学硕士生、博士生教材。有些医学科研机构也使用本书作为提高医学科研能力的培训教材。学员们反映，该书可读性好，实用性强，深入浅出，简单明了。

《SPSS for Windows Ver.11.5 在医学统计中的应用》是该书的第三版，其特点是：

1. 本书使用 SPSS 最新的 SPSS for Windows Ver.11.5 版本，表述的内容也适用于 SPSS for Windows Ver.10 以上的版本。

2. 本书使用《SPSS for Windows Ver.11.5 在医学统计中的应用》为书名，仅仅是为了出版的连续性。实质上，书名为《SPSS for Windows Ver.11.5 与医学科研统计的整合》更恰当一些，因为本书是根据医学科研统计分析中要解决的实际问题为纲目，引导读者调用 SPSS 中的功能来进行数据处理，而不是按 SPSS 的纲目进行罗列讲解。比如：

(1) 医学科研中，在建立数据文件后，进行统计分析之前，必须对数据进行清理。但是，做哪些清理？如何清理？SPSS for Windows 没有交代，本书结合医学实际，引导读者使用 SPSS 中的一些功能进行数据清理。

(2) 医学统计描述，首先要确定观测变量的正态性，然后，根据正态性和非正态性选用不同的统计量，因此，本书把正态性检验放在统计描述中，将它们整合在一起讲解。

(3) 在计数资料的  $\chi^2$  检验中，医学科研工作者经常具有频数表资料而非原始资料，本书把“data”中的“weight cases”与  $\chi^2$  检验整合在一起介绍。

(4) 在行  $\times$  列  $\chi^2$  检验中，经常会出现期望值小于 5 的格点数超过总格点数 20% 的情况，此时，要做合理的合并。如何合并？本书把  $\chi^2$  检验与“recode”整合处理。

(5) 在多组的行  $\times$  列  $\chi^2$  检验中，经常要行  $\times$  列分割。如何做行  $\times$  列分割？本书把  $\chi^2$  检验与“missing value”整合处理。

(6) 在协方差分析中，首先要确定协变量，本书介绍了在做协方差分析之前如何确定协变量。

(7) 医学科研中，计量资料的两组或多组均值的统计学检验中，首先要确定

---

\* 第二版、第一版序言略，请参看前两版。

观测变量的正态性和方差齐性，本书把相关内容整合在一起进行统计分析。

如此等等，贯穿全书，因此，本书是 SPSS for Windows Ver.11.5 与医学科研统计的整合。

3. 为了使读者能正确使用统计方法，对大样本或小样本，要校正或不要校正，什么条件下校正，如何校正都做了适当的补充和叙述，尤其在第七章卡方统计分析中，补充了较完善的例题。

4. 根据医学科研需要，第三版增加了“诊断试验的评价与一致性检验——Kappa”和“曲线回归”。

SPSS (Statistics Package for Social Science) 是世界上通用的统计软件包之一。它无须编写程序，完全可以在 Windows 下通过“菜单”、“对话框”，使用鼠标来操作，为读者提供了极大的方便，深受用户欢迎。

在医学科研中存在大量统计问题，主要有：如何建立数据文件；如何选择统计方法；如何正确使用统计软件包；如何恰当地解释统计分析结果。实际上，这四者是密切联系不可分割的。

作者积 22 年的医学中统计分析的经验，从医学中的实际问题出发，深入浅出地介绍如何正确使用 SPSS for Windows 统计软件包，期望给读者提供一个简单、明了、正确的进行医学数据处理的方法。

SPSS 内容很多，涉及面也很宽，本书只介绍在医学中常用的统计内容和方法，使本书有很强的实用价值。本书中未提及的内容，读者可查阅 SPSS 的原版使用手册。

由于编者水平有限，书中难免有不妥之处，望读者批评指正，以利提高。

马斌荣

于首都医科大学

2003 年 8 月

# 目 录

## 第三版序言

<b>第一章 SPSS for Windows 概述</b>	.....	(1)
第一节 SPSS for Windows 的特点	.....	(1)
第二节 SPSS for Windows 使用的硬件环境和软件环境	.....	(2)
第三节 SPSS for Windows 的启动和退出	.....	(2)
<b>第二章 数据文件的建立</b>	.....	(5)
第一节 数据编码	.....	(8)
第二节 定义变量	.....	(10)
第三节 数据录入	.....	(14)
第四节 数据文件的存储	.....	(16)
第五节 其他类型的数据文件的读入	.....	(17)
<b>第三章 数据文件的编辑</b>	.....	(20)
第一节 数据的搜索	.....	(20)
第二节 变量的插入与删除	.....	(22)
第三节 观察量(病例)的插入和删除	.....	(22)
第四节 数据的剪切、复制和粘贴	.....	(23)
第五节 根据已存在的变量建立新变量	.....	(24)
第六节 排序	.....	(29)
第七节 数据文件的拆分与合并	.....	(37)
<b>第四章 清理数据</b>	.....	(48)
第一节 对奇异数据的检查与清理	.....	(48)
第二节 相关变量之间的逻辑检查与清理	.....	(54)
<b>第五章 基本统计描述</b>	.....	(56)
第一节 基本统计描述中的主要统计量	.....	(56)
第二节 正态性检验	.....	(57)
第三节 用 SPSS for Windows 作基本统计描述	.....	(63)
<b>第六章 t 检验</b>	.....	(70)
第一节 配对 t 检验	.....	(70)
第二节 两组独立样本的 t 检验	.....	(74)
<b>第七章 方差分析</b>	.....	(80)

第一节	单因素方差分析	(80)
第二节	方差分析中均数的两两比较	(84)
第三节	随机区组设计的方差分析	(87)
第四节	多因素方差分析	(100)
第五节	析因分析(有重复的两因素方差分析)	(103)
<b>第八章</b>	<b><math>\chi^2</math> 检验</b>	(109)
第一节	行 $\times$ 列 $\chi^2$ 检验	(109)
第二节	四格表 $\chi^2$ 检验	(124)
第三节	配对 $\chi^2$ 检验	(132)
<b>第九章</b>	<b>秩和检验</b>	(137)
第一节	配对比较的秩和检验	(137)
第二节	两样本比较的秩和检验	(139)
第三节	多个独立样本比较的秩和检验	(141)
<b>第十章</b>	<b>相关与回归</b>	(146)
第一节	一元线性相关与回归	(146)
第二节	多元相关分析	(161)
第三节	多元线性回归	(164)
第四节	多元逐步回归	(172)
第五节	曲线回归	(175)
<b>第十一章</b>	<b>Logistic 回归</b>	(187)
第一节	Logistic 回归的基本概念	(187)
第二节	Logistic 回归的统计分析	(189)
<b>第十二章</b>	<b>协方差分析</b>	(204)
第一节	完全随机设计的协方差分析	(204)
第二节	随机配伍组设计的协方差分析	(213)
第三节	协方差分析中的组间的两两比较	(220)
<b>第十三章</b>	<b>诊断试验的评价与一致性检验——Kappa</b>	(223)
第一节	诊断试验的评价	(223)
第二节	诊断试验的一致性检验——Kappa	(229)
<b>第十四章</b>	<b>聚类分析</b>	(236)
第一节	按样品聚类	(236)
第二节	按指标聚类	(243)
第三节	K-means 聚类	(248)
<b>第十五章</b>	<b>主成分分析</b>	(257)
第一节	主成分分析的基本概念	(257)
第二节	主成分分析的操作步骤	(259)

<b>第十六章 统计图形</b>	.....	(267)
第一节 条形图	.....	(267)
第二节 饼图	.....	(275)
第三节 线图	.....	(278)
第四节 直方图	.....	(282)
第五节 散点图	.....	(284)
<b>第十七章 统计表</b>	.....	(286)
第一节 基本统计表	.....	(286)
第二节 综合统计表	.....	(291)

# 第一章 SPSS for Windows 概述

SPSS (Statistics Package for Social Science) 是社会科学用的统计软件包。它与 SAS 一样是世界上通用的统计软件包之一。事实上，它不仅适用于社会科学，同样可应用于经济学、心理学、医学等各个领域。早期推出的是 SPSS for DOS (DOS 版本)。20 世纪 90 年代推出了 SPSS for Windows (Windows 版本)。这样，无须编写程序，完全可以在 Windows 下通过“菜单”、“对话框”，使用鼠标来操作，为读者提供了极大的方便，深受用户欢迎。本书是依最近发行的 SPSS for Windows Ver.11.5 版本编写的。

## 第一节 SPSS for Windows 的特点

SPSS for Windows 具有如下特点：

**1. SPSS for Windows 可在 Windows 98/2000/xp 环境下使用**

**2. 本软件的操作不需要编程**

除了数据录入及部分命令程序等少数输入工作要用键盘键入外，大多数操作可通过单击或双击鼠标来完成。

**3. 本软件与其他软件有转换接口**

本软件与其他软件有数据转换接口，比如由 DBASE, FOXBASE, FOXPRO 生成的 (\* .dbf) 数据文件；Microsoft Excel 生成的 (\* .xls) 数据文件；由 SPSS for DOS 生成的 (\* .sys) 数据文件；由 SYSTAT 生成的 (\* .sys) 数据文件；由 LOTUS 生成的 (\* .w\*) 数据文件等都可方便地读入。而本软件生成的数据文件也可以方便地转化为相应的其他数据文件。

**4. SPSS for Windows 软件包为模块结构**

SPSS for Windows 软件包分为 Base, Professional, Advance, Tables, Trends, Categories 和 LISREL 等功能模块，读者可根据需要购买其中相应的功能模块。

## 第二节 SPSS for Windows 使用的硬件环境和软件环境

### 1. SPSS for Windows 使用的硬件环境

SPSS for Windows 安装时，根据所选的模块多少及版本的不同，所占的硬盘空间也不同，一般来说，需要 16~24 MB。除此之外，为了运行此软件，一般还应有大于 10 MB 的自由空间，否则，存取速度会明显下降，甚至会出现出错信息。

在运行该软件时，至少有 4 MB 以上的内存空间。

计算机的选型，一般来说，CPU PⅢ 或 CPU PⅣ 都行。

### 2. SPSS for Windows 使用的软件环境

SPSS for Windows 可在 Windows 98/2000/xp 环境下使用。根据作者的经验，在英文 Windows 环境下运行，故障率较低。如果需要使用汉字，则可安装“中文之星”等软件。因此，建议选用 Windows 98/2000/xp + 中文之星。

## 第三节 SPSS for Windows 的启动和退出

### 一、SPSS for Windows 的启动

首先进入 Windows 98/2000/xp，然后找到 SPSS Ver.11.5 的图标，如图 1.1 所示。

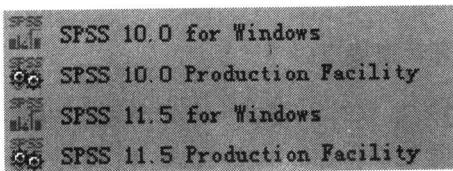


图 1.1 SPSS Ver.11.5 的图标

单击该图标中的“SPSS 11.5 for Windows”即可启动 SPSS for Windows；一旦启动，将在屏幕上显示 SPSS for Windows 主界面，如图 1.2 所示。

SPSS for Windows 主界面上最上面一行是由 10 个菜单项目组成的主菜单。其内容为：

- |          |      |
|----------|------|
| (1) File | 文件操作 |
| (2) Edit | 文本编辑 |
| (3) View | 视图   |

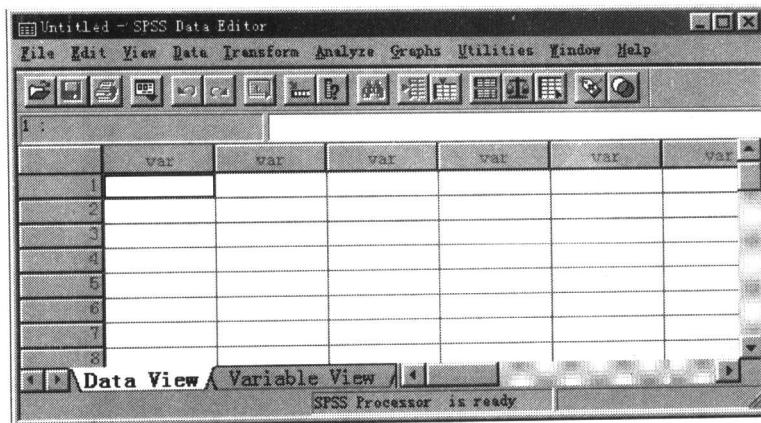


图 1.2 SPSS for Windows 主界面

- |               |            |
|---------------|------------|
| (4) Data      | 数据文件的建立和编辑 |
| (5) Transform | 数据转换       |
| (6) Analyze   | 统计分析       |
| (7) Graphs    | 统计图形的建立和编辑 |
| (8) Utilities | 一些实用工具     |
| (9) Window    | 窗口信息与控制    |
| (10) Help     | 帮助         |

每个菜单都包括一系列功能，用鼠标单击可出现下拉式菜单，供读者进一步选择和操作。这些功能将在后面章节中陆续介绍。

## 二、SPSS for Windows 系统的退出

可按下列步骤退出 SPSS for Windows：

1. 首先要把新建立的或修改过的文件的内容进行保存（存储）。具体的操作方法是：

（1）如果是对一个新建立的数据文件进行保存，单击主菜单中的“File”，在下拉菜单中，找到“Save As”并单击之，弹出如图 1.3 的对话框。

输入自选的数据文件名（其后缀应为.sav）及相应的磁盘路径，单击“OK”键，即可存入数据文件。

（2）如果是对一个旧的数据文件修改后进行保存，并且不再要保存原数据文件，只需在“File”的下拉菜单中找到“Save”并单击之，便可存入数据文件（注意，原数据文件将被覆盖）；如果要保留原数据文件，则选择“File”下拉菜单的“Save As”，并键入新的文件名，则修改过后的数据将以新的文件名保存。

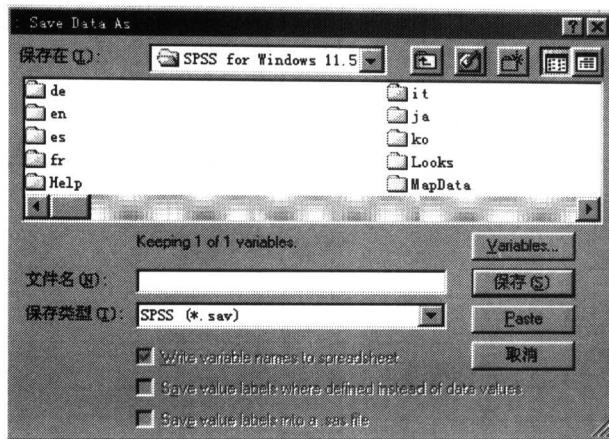


图 1.3 存数据文件的对话框

(3) 如果在运行过程中产生统计分析的结果，读者也想把它保存下来，以便今后查阅或打印，应把 Output 窗口列为当前窗口，然后使用上述同样方法进行存储。当然，其文件的后缀应为 .spo。

2. 单击主菜单中的“File”，在下拉菜单中找到“Exit”，单击之，则可退出 SPSS for Windows。

如果读者忘了上述第一步的操作而直接操作第二步，屏幕上将出现一些对话框，询问读者是否要对修改过的文件内容进行保存，读者可以根据实际需要，进行人-机对话。

## 第二章 数据文件的建立

数据文件的建立是指把科研工作过程中采集的各种信息（Information）、数据（Data）以某种方式存入到计算机的磁盘中，建立可随时存取、修改、统计分析的数据文件的全过程。一般来说它包括数据编码、建立数据文件的框架结构、数据录入、选定数据文件名及保存数据等几个步骤。

**例 2.1** 北京儿童医院李龙教授进行了“围手术期输血与先天性巨结肠术后感染关系的探讨”的研究课题。共观察了 86 个病例，每个病例采集的数据为性别、年龄（月龄）、红细胞压积、手术方式、疾病部位、手术经历的时间（分钟）、手术中失血总量（毫升）、手术中输血次数、手术中输血量（毫升/每公斤体重）及是否感染等。

其原始数据如表 2.1 所示：

表 2.1 围手术期输血与先天性巨结肠术后感染关系的探讨的数据

病例号	性别	月龄	红细胞压积	手术方式	疾病部位	手术持续时间/min	手术中失血量	手术中输血次数	手术中输血量(毫升/公斤体重)	感染与否
1	男	11	56.4	环型	乙状结肠	200	40	1	10.0	无感染
2	男	4	32.5	Z型	结肠	215	40	1	15.2	无感染
3	男	10	37.8	Z型	直肠	190	40	1	13.5	无感染
4	男	22	37.9	吻合器	结肠	250	40	2	30.0	感染
5	女	7	47.8	环型	乙状结肠	145	40	1	16.7	无感染
6	女	6	47.4	吻合器	直肠	205	60	2	18.3	无感染
7	男	45	54.7	吻合器	直肠	210	40	3	21.4	无感染
8	男	1	98.3	吻合器	直肠	270	20	3	30.3	感染
9	男	1	47.0	吻合器	直肠	180	40	3	31.3	无感染
10	男	4	31.6	吻合器	乙状结肠	180	40	1	20.0	无感染
11	男	15	49.7	Z型	直肠	190	40	1	10.0	无感染
12	男	5	31.8	吻合器	乙状结肠	170	40	1	25.0	无感染
13	男	1	52.3	环型	直肠	135	30	4	35.7	无感染
14	男	9	46.6	Z型	直肠	245	40	1	12.5	感染
15	男	1	76.4	吻合器	乙状结肠	200	20	3	32.3	感染

续表

病例号	性别	月龄	红细胞压积	手术方式	疾病部位	手术持续时间/min	手术中失血量	手术中输血次数	手术中输血量(毫升/公斤体重)		感染与否
									感染	无感染	
16	男	144	48.1	吻合器	乙状结肠	325	40	1	7.4	感染	
17	男	11	80.8	吻合器	乙状结肠	280	100	2	18.8	感染	
18	男	2	56.1	吻合器	直肠	225	20	2	22.7	无感染	
19	男	17	41.2	吻合器	直肠	225	40	1	16.7	感染	
20	男	60	41.9	吻合器	结肠	270	40	1	10.5	无感染	
21	男	2	52.2	吻合器	直肠	165	30	4	40.3	无感染	
22	男	78	53.7	Z型	直肠	275	40	2	10.5	无感染	
23	男	5	33.8	吻合器	乙状结肠	140	40	1	16.7	无感染	
24	女	4	58.7	环型	乙状结肠	110	40	4	58.3	感染	
25	男	16	43.3	吻合器	乙状结肠	165	40	1	9.1	无感染	
26	男	3	45.2	环型	乙状结肠	130	10	3	32.6	感染	
27	男	38	48.5	吻合器	乙状结肠	175	40	2	14.8	感染	
28	男	1	57.1	环型	直肠	140	20	2	29.4	无感染	
29	男	8	50.2	吻合器	结肠	225	20	3	28.9	感染	
30	男	120	55.6	吻合器	乙状结肠	230	40	1	7.2	无感染	
31	男	15	49.7	Z型	直肠	190	30	1	11.1	无感染	
32	男	13	54.5	环型	直肠	155	40	2	13.6	无感染	
33	男	4	42.2	环型	直肠	130	10	2	14.7	无感染	
34	男	29	61.2	环型	直肠	120	40	2	30.0	感染	
35	男	3	34.6	吻合器	结肠	175	40	2	20.8	无感染	
36	男	24	43.0	环型	直肠	170	40	1	10.0	无感染	
37	男	3	45.5	吻合器	乙状结肠	165	40	2	30.0	无感染	
38	男	65	72.9	环型	直肠	240	40	1	11.1	无感染	
39	男	26	48.1	Z型	结肠	180	100	1	11.1	感染	
40	男	6	46.9	吻合器	直肠	195	30	1	16.1	感染	
41	男	2	59.1	吻合器	直肠	230	50	3	39.1	无感染	
42	男	10	45.8	Z型	乙状结肠	205	40	1	11.8	无感染	
43	女	54	46.3	Z型	乙状结肠	270	40	1	7.4	感染	
44	男	5	41.4	吻合器	乙状结肠	210	40	2	13.3	无感染	
45	男	14	36.7	吻合器	直肠	160	40	1	10.0	感染	
46	男	16	49.7	吻合器	直肠	250	100	2	11.5	无感染	

续表

病例号	性别	月龄	红细胞压积	手术方式	疾病部位	手术持续时间/min	手术中失血量	手术中输血次数	手术中输血量(毫升/公斤体重)		感染与否
									感染	无感染	
47	男	10	80.8	吻合器	乙状结肠	280	100	2	18.9	感染	
48	男	2	54.7	吻合器	乙状结肠	210	50	3	46.9	感染	
49	男	26	82.4	吻合器	乙状结肠	230	50	2	20.0	无感染	
50	男	25	39.8	吻合器	结肠	210	40	1	23.5	感染	
51	女	3	34.7	吻合器	直肠	225	50	4	34.1	无感染	
52	男	84	46.3	Z型	乙状结肠	215	40	3	55.6	无感染	
53	男	46	54.9	吻合器	直肠	270	50	1	11.8	无感染	
54	男	5	45.7	吻合器	乙状结肠	175	40	1	14.3	无感染	
55	男	3	48.4	吻合器	乙状结肠	165	40	2	30.1	无感染	
56	女	7	35.9	吻合器	结肠	175	20	2	20.0	感染	
57	男	1	86.0	吻合器	结肠	260	20	4	61.5	无感染	
58	男	9	46.4	Z型	直肠	205	30	1	5.9	无感染	
59	男	8	50.2	吻合器	结肠	270	100	3	26.4	感染	
60	女	1	80.2	吻合器	乙状结肠	195	30	3	33.3	无感染	
61	男	4	34.8	吻合器	乙状结肠	180	40	0	0	无感染	
62	女	15	35.8	吻合器	直肠	210	50	0	0	无感染	
63	男	19	34.6	吻合器	结肠	200	50	0	0	无感染	
64	女	45	47.7	吻合器	乙状结肠	210	40	0	0	无感染	
65	男	13	74.5	Z型	乙状结肠	150	40	0	0	无感染	
66	男	96	42.7	吻合器	直肠	225	80	0	0	无感染	
67	男	60	58.5	Z型	结肠	190	100	0	0	无感染	
68	女	96	45.9	吻合器	乙状结肠	235	150	0	0	无感染	
69	男	48	42.6	吻合器	乙状结肠	180	40	0	0	无感染	
70	男	10	51.5	吻合器	直肠	250	100	0	0	无感染	
71	女	16	34.9	吻合器	直肠	190	40	0	0	无感染	
72	男	60	45.8	Z型	乙状结肠	190	100	0	0	无感染	
73	女	72	36.0	Z型	直肠	175	40	0	0	无感染	
74	男	6	35.6	吻合器	直肠	230	40	0	0	无感染	
75	男	3	48.2	Z型	乙状结肠	190	50	0	0	无感染	
76	男	20	40.5	吻合器	结肠	140	40	0	0	无感染	
77	男	36	34.2	吻合器	直肠	235	40	0	0	无感染	

续表

病例号	性别	月龄	红细胞压积	手术方式	疾病部位	手术持续时间/min	手术中失血量	手术中输血次数	手术中输血量(毫升/公斤体重)	感染与否
78	男	52	35.7	吻合器	直肠	150	20	0	0	无感染
79	男	6	48.0	环型	乙状结肠	140	40	0	0	感染
80	男	39	73.2	环型	直肠	165	50	0	0	无感染
81	男	16	47.7	环型	直肠	125	20	0	0	无感染
82	女	44	68.5	Z型	直肠	175	50	0	0	无感染
83	男	13	63.7	环型	乙状结肠	190	40	0	0	无感染
84	男	120	51.6	环型	直肠	135	50	0	0	无感染
85	男	11	52.6	环型	直肠	140	50	0	0	无感染
86	男	65	41.9	Z型	直肠	215	40	0	0	无感染

## 第一节 数据编码

在建立数据文件之前首先要进行数据编码 (data code)。它包括如下三个层次。

### 1. 定义数据项的变量名 (variable name)

在例 2.1 中, 涉及到病例号、性别、月龄、红细胞压积、手术方式、疾病部位、手术持续时间、手术中失血量、手术中输血次数、手术中输血量及感染与否等 11 个数据项。我们应该对每一个数据项确立一个变量名。本例中的变量名为:

num	病例号
sex	性别
age	月龄
hct	红细胞压积
pt	手术方式
da	疾病部位
time	手术持续时间
lb	手术中失血量
bn	手术中输血次数
bc	手术中输血量
infect	感染与否

给数据项取变量名可以用汉语拼音或英文缩写。但是，为数据项取变量名时，应该遵循如下原则：

(1) 变量名由不多于 8 个字符组成。

(2) 首字符应该是英文字母，其后可为字母或数字及下划线“\_”和圆点“.”，“\_”可以放在最后，“.”不可以放在最后。

(3) 变量名不能使用 SPSS 的保留字。SPSS 的保留字有：ALL, AND, OR, NOT, EQ, GE, GT, LE, LT, NE, TO, WITH 及一些常用的函数符号等。

(4) 系统不区分变量名中的大小写字母。例如 ABCD 与 abcd 被认为是同一变量。

## 2. 定义数据项变量的标签 (variable labels)

定义变量标签是对该变量名所表示的数据项内涵的进一步说明。由于变量名只由不超过 8 个字符组成，8 个字符不足以表示该变量的内涵。而变量标签不受字符位数的限制，可以用英文，在中文之星的中文平台上也可以使用中文。在统计分析过程的输出中，会在变量名对应的位置显示该变量的英文或中文标签。这将有助于理解输出结果。

变量标签是一个可选择 (optional) 的属性，可以定义，也可以不定义。例 2.1 的变量标签如表 2.2 所示。

## 3. 定义变量取值的变量值标签 (value label)

每个变量名对应一个数据项，每个变量取不同的值（简称变量值），表示数据项中的不同信息。有时为了更好地理解统计分析过程中的输出结果，要进一步给变量的不同的取值赋以不同标签，以便对不同的信息作出解释。在输出结果的相应位置上就会出现该标签，使读者一目了然。

并不是所有变量值都要定义标签，一般来说只有离散变量才给变量值定义标签。例 2.1 的变量值标签如表 2.3 所示。

表 2.2 例 2.1 的变量标签

变量名	变量标签
num	病例号
sex	病人的性别
age	病人月龄
hct	红细胞压积
pt	手术方式
da	疾病部位
time	手术持续时间
lb	手术中失血总量
bn	手术中输血次数
bc	手术中输血量
infect	感染与否